

Super Probe qPCR Mix Plus U

货号规格

货号	P2711	P2712	P2713	P2714
25- μ l 反应数	80 rxns	400 rxns	4000 rxns	8000 rxns

产品简介

Super Probe qPCR Mix Plus U 是用于探针法多重实时定量 PCR 的 2 \times Master Mix, 使用时只需加入模板、引物和探针即可进行反应。本品含有抗体技术修饰的突变型热启动酶 Hotstart Taq DNA 聚合酶, 配合东盛特制的 Super PCR Buffer, 能实现多重 qPCR, 而且能耐受 SDS、胍盐、肝素等 PCR 抑制物。该试剂引入了 dUTP/UDG 防污染系统, 可以在 PCR 反应前清除含 dUTP 的 PCR 产物, 有效避免因扩增产物的交叉污染对定量的影响。本品方便用于搭配 TaqMan、引物实现全预混 Master Mix 分子诊断试剂盒。本品可搭配 TaqMan 等各类荧光探针使用, 与常见定量 PCR 仪完美兼容, 如 ABI、Roche、Bio-Rad 等。本产品可以免冰盒配制反应体系, 可以直接于常温进行 PCR Mix、引物、模板等组分的配制, 配制好的 PCR 反应体系可以常温放置 24 小时而保持扩增效率不变。

产品组成

Component	P2711	P2712	P2713	P2714
2 \times Super Probe qPCR Mix Plus U ^a	1 ml	1 ml \times 5	50 ml	100 ml
超纯水	1 ml	1 ml \times 5	-	-

a 包含 Hotstart Taq DNA 聚合酶, dNTP/dUTP Mix, UDG (Uracil-DNA Glycosylase, 尿嘧啶 DNA 糖基化酶) 及反应缓冲液等。

保存条件

-20 $^{\circ}$ C 保存 2 年, 4 $^{\circ}$ C 可短期保存。

质量控制

纯度检测: 经质量检测, 产品不含脱氧核糖核酸内切酶、脱氧核糖核酸外切酶和核糖核酸酶污染。

功能检测: 经不同来源的模板和引物检测, 产品具有优秀的特异性、灵敏性及可重复性等。

应用举例

1. 配制反应体系

请于冰上配制以下反应体系:

Component	25- μ l rxn	Final Conc.
2 \times Super Probe qPCR Mix Plus U	12.5 μ l	1 \times
Forward primer (10 μ M) ^[1]	0.5 μ l	0.2 μ M
Reverse primer (10 μ M) ^[1]	0.5 μ l	0.2 μ M
Probe ^[2]	1 μ l	0.1~0.5 μ M
DNA template ^[3]	2 μ l	-
超纯水	8.5 μ l	-
Total volume ^[4]	25 μ l	-

[1] 引物终浓度建议范围: 0.1-1.0 μ M, 通常引物终浓度为 0.2 μ M 效果较好。

[2] 使用探针的浓度与 Real Time PCR 扩增仪、探针种类和荧光标记物种类有关, 使用时请参照相关说明。通常探针终浓度在 0.1-0.5 μ M 之间。

[3] DNA 模板建议用量 (25 μ l 体系): 1-10 ng cDNA, 或 10-100 ng gDNA。加样体积不宜过小, 以免造成较大的误差, 但未稀释的 cDNA 不宜超过总体积的 1/10。

[4] 建议总体积不小于 10 μ l, 以免造成较大的加样误差。具体体积范围参考仪器说明。

注意: 对于某些固定型号的仪器, 需要添加 ROX 参比染料才能精确测定 Ct 值。由于 ROX 的使用体积较小, 建议将 ROX 提前与 qPCR Mix 混匀使用。ROX 用量参照具体仪器说明, 下表仅供参考。

Instruments	Final Conc.
ABI PRISM 7000/ PRISM 7700/ 7300/ 7900HT/ Step One/ Step One Plus/ GeneAmp 5700	500nM (High ROX)
ABI 7500/ 7500 Fast/ ViiA 7/ QuantStudio 6/7/12K Flex; Agilent Stratagene Mx3000P/ Mx3005P/ Mx4000	50nM (Low ROX)
Bio-Rad CFX96/ CFX384/ iQ/ iQ5; MJ Research Opticon 2/ Chromo 4; Roche LightCycler 480/ 96; Corbett Rotor Gene G/ Q/ 3000/ 6000; Thermo PikoReal 96; Eppendorf MasterCycler ep realplex; Cepheid Smart Cycler	No ROX

2. 设定反应程序进行 qPCR 反应

两步法程序示例如下:

Stage	Temperature	Time	Cycle
UDG pre-treatment	37 $^{\circ}$ C	2 min	1

Initial denaturation	95°C	30 sec	1
Denaturation	95°C	10 sec	40
Annealing & Extension ^[1]	60°C	30 sec	

本品仅供科学研究使用。

[1] 仪器在此阶段进行信号采集。请根据仪器类型设置反应时间。若反应效果不佳，建议采用三步法扩增程序。

经典三步法程序示例如下：

Stage	Temperature	Time	Cycle
UDG pre-treatment	37°C	2 min	1
Initial denaturation	95°C	30 sec	1
Denaturation	95°C	10 sec	40
Annealing ^[1]	60°C	15 sec	
Extension	72°C	20 sec	

[1] 仪器在此阶段进行信号采集。常用退火温度在 55-65°C 之间。退火温度一般设定为所用引物的 $T_m-5^\circ\text{C}$ ，若低于 55°C，则以 T_m 值为退火温度，一般不低于 55°C。请根据仪器类型设置反应时间。

3. 分析结果

观察扩增曲线；调整基线，计算 C_t 值；进行相对或绝对定量。

注意事项

- 1 使用前 Mix 需要完全解冻，充分混匀。尽量避免多次反复冻融。短期使用可保存于 4°C。
- 2 将 $(n+x)$ 份反应液混匀后再分注到 n 个单管中，可降低加样误差。（ n 为重复次数， x 为损耗量，一般为 n 的 1/10）
- 3 ABI 的定量仪器大部分需要 ROX 校正管间差异，Bio-Rad 的定量仪器不需要 ROX 校正。具体仪器请参照其使用说明。
- 4 轻轻混匀反应液，避免产生气泡，气泡会干扰荧光检测。可瞬时离心去除气泡。
- 5 引物的特异性、用量以及退火温度是影响实验结果的重要因素。务必设计特异性好的引物，随实验结果适当调整引物用量（0.1 μM -1.0 μM ）——特异性较差时减少引物用量，或以 3°C 为增量提高退火温度，扩增效率较低时增加引物用量。
- 6 DNA 模板的量应小于 500 ng/反应，过高的模板量会引起非特异性扩增。应根据模板类型与基因表达量适当调整用量。
- 7 各类探针应参照相应的指南进行设计，并根据所用扩增仪类型、探针种类和荧光标记物种类等调整用量。